РАСПРЕДЕЛЕНИЕ ПОЛИМОРФИЗМА ГЕНА АПОЛИПОПРОТЕИНА E У БОЛЬНЫХ С НЕСТАБИЛЬНОЙ СТЕНОКАРДИЕЙ И СМЕШАННОЙ ДИСЛИПИДЕМИЕЙ

ЭШПУЛАТОВ А.С., НОРБАЕВА З.А., КУЧКАРОВ У.А., АБДУЛЛАЕВА Д.Х.

Андижанский филиал республиканского специализированного научно-практического центра кардиологии, г. Андижан. Узбекистан

Цель исследования. Изучение распределения полиморфизма гена аполипопротеина E (APO E) в зависимости от характера дислипидемии у больных с нестабильной стенокардией (НС) узбекской национальности.

Материал и методы. Обследован 141 больной, с НС IIB класс (Braunwald E. et al., 1989). Группу сравнения составили 50 здоровых лиц узбекской национальности без клинических и инструментально-диагностических признаков ишемической болезни сердца (по данным теста с физической нагрузкой), сопоставимых с больными по полу и возрасту, не имеющихотягощенного семейного анамнеза ИБС. Спектр липидов крови: общий холестерин (ОХС), холестерин липопротеинов низкой плотности (ХС ЛПНП), холестерин липопротеинов высокой плотности (ХС ЛПВП), триглицериды (ТГ), коэффициент атерогенности (КА) определяли на автоанализаторе «Daytona» (RANDOX, Ирландия). Генотипирование $\epsilon 2/\epsilon 3/\epsilon 4$ полиморфизма гена APO E проводили методом ПЦР в лаборатории функциональной геномики человека Института генетики и экспериментальной биологии растений АН РУз с использованием термоциклера PCR Systems 2700 («Applied Biosystems», США) и в лаборатории АГ и МГИ РСЦК на термоциклере GeneAmp PCR Systems 9700 («Applied Biosystems», США). Для гена APOE использовалась следующая последовательность праймеров: [Hixson J. и Wenham P.R., 1991, 1990]: Upstream primer=5'TCCAAGGAGCTGC

AGGCGGCGCA3' Downstream primer=5'ACAGAATT CGCCCCGGCCTGGTACACTGCCA3'.

Результаты. При сравнительном анализе распределения частот генотипов в группе больных НС генотип E3/E4 $\epsilon 2/\epsilon 3/\epsilon 4$ полиморфизма гена Apo E встречался больше у 78 (55,3%) обследованных, чем в группе здоровых лиц – 5 (10%), различие носило достоверный характер ($\chi^2=29,035$, $P<0,000$). Генотип E3/E3 в группе больных НС обнаружен у 50 (35,5%) обследованных и у 39 (78%) ($\chi^2=25,159$, $P<0,000$) в группе здоровых. При этом следует отметить, что генотип E4/E4 среди больных обнаружен у 2 (1,4%) обследованных, а у здоровых в нашем исследовании лиц с генотипом E4/E4 отсутствовали. А также в среде больных генотип E2/E3 – у 2 (1,4%), в группе здоровых встречался у 5 (10%) ($\chi^2=5,460$, $P<0,05$), показатели носили достоверный характер. Распределение «повреждающей» $\epsilon 4$ аллелей $\epsilon 2/\epsilon 3/\epsilon 4$ полиморфизма гена Apo E в группе больных 89 (31,6%), у здоровых лиц наблюдалось у 6 (6%), ($\chi^2=24,463$, $P<0,000$). При этом среди больных НС аллели $\epsilon 3$ $\epsilon 2/\epsilon 3/\epsilon 4$ полиморфизма гена ApoE оказалось 180 (63,8%), а среди здоровых – 88 (88%) ($\chi^2=19,460$, $P<0,000$).

Выводы. У больных НС частота встречаемости генотипа E3/E4 $\epsilon 2/\epsilon 3/\epsilon 4$, а также носительство «повреждающего» $\epsilon 4$ аллеля полиморфизма гена ApoE оказались выше, чем среди здоровых этнических узбеков

ОСОБЕННОСТИ ПОКАЗАТЕЛЕЙ ЛИПИДНОГО ОБМЕНА И МАРКЕРОВ АТЕРОСКЛЕРОЗА В ЗАВИСИМОСТИ ОТ E2/E3/E4 ПОЛИМОРФИЗМА ГЕНА АПОЛИПОПРОТЕИНА E

ЭШПУЛАТОВ А.С., МИРЗАЖАНОВА О.У., НИЯЗОВ З.М., МИРЗОЛИМОВА М.А.

Андижанский филиал республиканского специализированного научно-практического центра кардиологии, г. Андижан. Узбекистан

Цель исследования. Оценка влияния $\epsilon 2/\epsilon 3/\epsilon 4$ полиморфизма гена аполипопротеина E на уровень показателей липидного обмена и маркеров атеросклероза у пациентов с нестабильной стенокардией.

Материал и методы. Для наблюдения включен 141 больной. Разделили на 2 группы: носителей с «повреждающей» $\epsilon 4$ аллели (n=87) и не

носителей $\epsilon 4$ аллеля (n=54). Спектр липидов крови: общий холестерин (ОХС), холестерин липопротеинов низкой плотности (ХС ЛПНП), холестерин липопротеинов высокой плотности (ХС ЛПВП), триглицериды (ТГ), коэффициент атерогенности (КА), биохимические показатели (АлАТ, АсАТ), биомаркеры липидного обмена аполипопротеин E (Apo E), аполипопротеин A-I (ApoA-I), аполи-