

ВЛИЯНИЕ ГЕНЕТИЧЕСКИХ ФАКТОРОВ НА РАЗВИТИЕ АРТЕРИАЛЬНОЙ ГИПЕРТЕНЗИИ ПО РЕЗУЛЬТАТАМ ПРОСПЕКТИВНОГО НАБЛЮДЕНИЯ

ПАВЛОВА О.С.¹, ОГУРЦОВА С.Э.², КОРОБКО И.Ю.¹, ЛИВЕНЦЕВА М.М.¹, МРОЧЕК А.Г.¹

¹Республиканский научно-практический центр «Кардиология»;

²Институт биоорганической химии Национальной академии наук Беларуси, г. Минск. Беларусь

Цель исследования. Оценить влияние генетических факторов, связанных с развитием эссенциальной артериальной (АГ), на основе изучения полиморфизма генов I/D ангиотензинпревращающего фермента (ACE), G83A гена ренина (REN), M235T гена ангиотензиногена (AGT), A1166C гена рецепторов 1 типа (AGTR1) и C3123A гена рецепторов 2 типа (AGTR2) к ангиотензину II, C(-344) T гена альдостеронсинтазы (CYP11B2), T58C гена рецепторов брадикинина 2 типа (BKR2), E298D гена эндотелиальной синтазы оксида азота (NOS3), C677T гена метилентетрагид-рофолатредуктазы (MTHFR) по данным проспективного пятилетнего наблюдения.

Материал и методы. Проанализированы результаты повторного клинического обследования 68 участников с нормальным или оптимальным уровнем АД (<129/84 мм рт.ст.), включенных в исследование в 2011–2013 гг. Генотипирование проводилось с использованием метода полимеразной цепной реакции с анализом полиморфизма длин рестрикционных фрагментов. Средний период наблюдения был 5,13±0,06 лет. В указанной группе средний возраст составил 47,8±9,2 года (24 мужчины и 44 женщины).

Результаты. По данным клинического обследования у 17 человек (25,0%) из 68 развилась эссенциальная АГ. Пациенты с АГ отличались от нормотензивных лиц по более высоким исходным показателям индекса массы тела, окружности талии и уровню АД, гендерному признаку (чаще мужской пол) без возрастных различий. Сравнитель-

ный молекулярно-генетический анализ показал, что у пациентов с развившейся АГ в отличие от нормотензивных лиц чаще встречался генотип CC полиморфизма A1166C гена AGTR1 (23,5 и 3,9%; $\chi^2=6,1$; $p<0,05$), как и T-аллель полиморфизма C(-344) T-гена CYP11B2 (61,8 и 40,2%; $\chi^2=4,8$; $p<0,05$). Наличие мутантного CC-генотипа полиморфизма A1166C гена AGTR1 увеличивало относительный риск развития АГ в течение пяти лет в 3,2 раза (ОР=3,18; ДИ=1,51–6,69; $p<0,05$) и мутантного T-аллеля полиморфизма C(-344) T-гена CYP11B2 – в 1,9 раза (ОР=1,93; ДИ=1,05–3,53; $p<0,05$). Сочетанное носительство мутантных аллелей T (M235T) гена AGT и T (C344T) гена CYP11B2, а также мутантных аллелей T (M235T) гена AGT, T (C344T) гена CYP11B2 и C (A1166C) гена AGTR1 было ассоциировано с увеличением относительного риска развития заболевания в течение пяти лет в 3,9 раза (ОР=3,9; ДИ=1,24–12,37; $p<0,01$) и 2,5 раза (ОР=2,5; ДИ=1,13–5,61; $p<0,05$), соответственно.

Заключение. У первоначально нормотензивных лиц пятилетний риск развития эссенциальной АГ взаимосвязан с полиморфизмом A1166C гена AGTR1, C(-344)T гена CYP11B2 и M235T гена AGT. Получены би- и триаллельные комбинации мутантных аллелей изучаемых локусов генов AGT, CYP11B2 и AGTR1, ассоциированные с повышением относительного риска развития заболевания в течение пяти лет в 2,5–3,9 раза, что может свидетельствовать о кумулятивном вкладе полигенного носительства генов-кандидатов в формирование эссенциальной АГ.

ВЗАИМОСВЯЗЬ СОЦИАЛЬНОГО СТАТУСА И КОМПЛАЕНС У ПАЦИЕНТОВ С АРТЕРИАЛЬНОЙ ГИПЕРТЕНЗИЕЙ

ПЕХОТА Н.В., д.м.н., п. Г.Ю.

МОИИ РФ ФГАОУО «ДВФУ» Школа искусств и гуманитарных наук. Россия

Введение (цели/задачи). Актуальность проблемы артериальной гипертензии (АГ) обусловлена распространенностью патологии, высокой инвалидизацией и смертностью от осложнений. В развитых странах распространенность АГ составляет от 25 до 40% среди взрослого населения, причем около 40% пациентов не знают о своем заболевании. Несмотря на доступность эффективных и безопасных антигипертензивных средств

(АГС), АГ и сопутствующие ей факторы риска у большинства пациентов контролируются недостаточно. Именно поэтому эта проблема привлекает внимание социологов. Мы считаем, что необходимо установить достоверные причины, в результате которых у пациентов формируется низкая приверженность к лечению.

Материал и методы. Анализ литературных источников по теме за последние 20 лет.